WO 00/28053

FIGURE 1

			180
MEATAAPFSSIVSSRQNFSSSSIRASSPASLFLSQKSIGNVNRKFKSPRSLSVRASS HEKELASTKPQNGFRIRAAl	TSDSVVTLLDYGAGNVRSIRNALRHLGFSIKDVQTPGDILNADRLIFPGVGPFAPAMDVL GGDSVVTLLDYGAGNVRSVRNAIRTLGFDIKDVQKPEDILNAKRLIFPGVGAFAPAMDVL GANTV-TLLDYGAGNVRSVRNAIRYLGFDIRDVQSPEDIVXAEXVVFPGVGAFGSAMDVX	NRTGMAEALCKYIENDRPF LGICLGLQLLFD-S SEQNGPVKGLGVIPGIVGRFDASAGIR IRKGLAEALCTYIQNDRPF LGICLGLQLLFE-S SEENGP"QGLGLIPGRVGRFESSNGLR TRTGMXNALREYIQRERPF XG	12:1
SEQ ID NO:15 SEQ ID NO:02 SEQ ID NO:08 SEQ ID NO:06 SEQ ID NO:10 SEQ ID NO:12 SEQ ID NO:12	SEQ ID NO:15 SEQ ID NO:04 SEQ ID NO:04 SEQ ID NO:06 SEQ ID NO:10 SEQ ID NO:14 SEQ ID NO:14	SEQ ID NO:15 SEQ ID NO:02 SEQ ID NO:04 SEQ ID NO:06 SEQ ID NO:10 SEQ ID NO:10	יי איי איי

PCT/US99/25950

FIGURE

VPHIGWNALQVGKDSE1LDDVGNRHVYFVHSYRAIPSDENKDWISSTCNYGESFISSIRR VPHIGWHALDIKEGSAILDDVGNQHVYFVHSYRA-NAEDNKEWISSTCSYGDDFIASIQK

NO:15 NO:02 NO:04

ΠD

	0	-	
VPHIGWHALDIKEGSAILDDVGNQHVYFVHSYRA-NAEDNKEWISSTCSYGDDFIASIQK VPHVGWNALQXTXXXPLLQGADGQXVYFXHSYRVLAS	GN VHAVQFHPE KSGEVGLSVLRRFLHPKLPATQKPMEGKASKLAKRVIACLDVRTNDK GN VHAVQFHPE KSGGVGLSILRRFLNADSFNNKRQKPMNGKASKLAKRVIACLDVRANDN	GDLVVTKGDQYDVREQSNENEVRNLGKPVDLAGQYYKDGADEISFLNITGFRDFPLGDL GDLVVTKGDQYDVRERTEENEVRNLGKPVELAGQYYLDGADEVSFLNITGFRDFPLGDLLVVTKGDQYDVRDHTSSKEVRNLGKPVDLASQYYIDGADEVSFLNITGFRDFPLGDL	301
D NO:02 D NO:04 D NO:08 D NO:08 D NO:10 D NO:11	D NO:15 D NO:02 D NO:04 D NO:06 D NO:10 D NO:12 D NO:14	ID NO:15 ID NO:02 ID NO:04 ID NO:06 ID NO:06 ID NO:10 ID NO:12 ID NO:14	
	SEQ ID	SEQ I	

WO 00/28053

FIGURE

MSIG S DAVFAA VSIG S DAVYTA	ISIG S DAVYAA	420	IRVTNPGPNGEE IKVSHPGPNGEE		IRVSSPGSNGEE 480	GQGKGFDIDLVKLISDSV GQGKGFDIDLIKLISDAV	GQGCGFDIDLVKMVSDAV	GQGKGFDVDLIKLISNAV
AAEYFRSGA DK ASEYFRSGA DK	ASEYFRSGA DK		PRRVYVNHPDDVPYKVIRVTNPGPNGEE PRRVYLRKPDEVEFKAIKVSHPGPNGEE	PRRVYVKSQEDVPFKTVKVSTKGPSGEE		ILLNCINC D GQGK	ILLNCIDC D GQGC	ILLNCIDC D GQGK
)ASGRYYSSLEV)ANGRYYSSLEV	ANGRYYSSLEV	1	וו מומ	::∴ ם ः:		10 10	া্ছে ।	33.0 m /
QVLRQTSKNVFVPLTVGGGIRDFTDASGRYYSSLEVAAEYFRSGA QVLQRASENVFVPLTVGGGIRDFTDANGRYYSSLEVASEYFRSGA	EVLRCASEKVFVPLTVGGGIRDFTDANGRYYSSLEVASEYFRSGA		FIKSGVKTGKSSLEQISRVYGNQAVVVSI YIKTGVKTGKSSIEQISTVYGNQAVVVSI	 FLQTGVKTGKSSLEQISRVYGNQAVVVSI 		AWYQCTVSGGQEGRPIGAFELAKAVEELGAG AWYQCTVNGGREGRPIGAYELAKAVEELGAG 	WYQCTVNGGRDSRAIGAYELAKAVEELGAG	 .WYQCTVNGGREGRPIGAYELAKAVEELGAG
MIQVLRQTSKN MLQVLQRASEN	MLEVIRCASEK	.61	EEYIKSGVKTG EEYIKTGVKTG	EAFLQTGVKTG	21	YAWYQCTVSGG YAWYQCTVNGG	YAWYQCTVNGG	 YA 81
NO:0 NO:0	8 8 8 8	NO:1	ZZZ	NO:0 NO:0	NO:1	ZZZ	NO:0 NO:0	NO:1 NO:1
0 0 0 0 0 0 0 0 0	SEQ ID SEQ ID SEQ ID	O O	SEQ ID SEQ ID SEQ ID	EQ I	EQ I	SEQ ID SEQ ID SEQ ID	EQ I	EQ I

WO 00/28053

PCT/US99/25950

FIGURE 1

SEQ ID NO:15 GIPVIASSGAGTPDHFSEVFEEDKRICRACCRHFPPERGYQSQSVKEHLQEERIEVRI SEQ ID NO:02 NIPVIASSGAGVADHFSEVFNETNASAALAAGIFHR-KEVPIKAVKEHLLKFGTFVRI			TIPVIASSGAGAVQHFSEIFEKTNASAALAAGIFHR-KEVPILAVKEHLVNAGVFVRV			SIPVIASXGAGAPEHFSEVFYKTNASAALAAGIFHR-KEVPIQSVKEHLLKEGIEVRI	541
ID NO:15 ID NO:02	ID NO:04	ID NO:08	ID NO:06	SEQ ID NO:10	ID NO:12	SEQ ID NO:14	ß
SEQ ID	SEQ ID	SEQ ID	SEQ ID	QI O	SEQ ID	OI O	
SES	SE	SE	SE	SE	SE	SE	